



LT AATGGCGACAGATTATACCGTGCTGACTCTAGACCCCCAGATGAAATAAAACGTTTCCGG 20
N G D R L Y R A D S R P P D E I K K F R
CT N D D K L Y R A D S K P P D E I K Q S G 20
AATGATGATAAGTTATATCGGGCAGATTCTAGACCTCCTGATGAAATAAAGCAGTCAGGT

LT AGTCTTATGCCCAGAGGT...AATGAGTACTTCGATAGAGGAAC TCAAATGAATATTAAT 39
S L M P R G Q N E Y F D R G T Q M N I N
CT G L M P R G Q S E Y F D R G T Q M N I N 40
GGTCTTATGCCAAGAGGACAGAGTGAGTACTTTGACCGAGGTACTCAAATGAATATCAAC

LT CTTTATGATCACGCGAGAGGAACACAAACCGGCTTTGTCAGATATGATGACGGATATGTT 59
L Y D H A R G T Q T G F V R Y D D G Y V
CT L Y D H A R G T Q T G F V R H D D G Y V 60
CTTTATGATCATGCAAGAGGAAC TCAAGCGGATTTGTTAGGCACGATGATGGATATGTT

LT TCCACTTCTCTTAGTTTGAGAAGTGCTCACTTAGCAGGACAGTATATATTATCAGGATAT 79
S T S L S L R S A H L A G Q Y I L S G Y
CT S T S I S L R S A H L V G Q T I L S G H 80
TCCACCTCAATTAGTTTGAGAAGTGCCCACTTAGTGCGTCAAAC TATATTGTCTGGTCAT

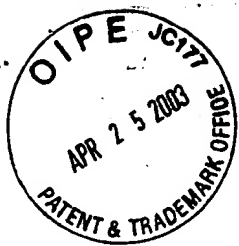
LT TCACTTACTATATATATCGTTATAGCA.....AATATGTTTAATGTTAATGATGTA 96
S L T I Y I V I A N M F N V N D V
CT S T Y Y I Y V I A T A P N M F N V N D V 100
TCTACTTATTATATATATGTTATAGCCACTGCACCCAACATGTTTAACGTTAATGATGTA

LT ATTAGCGTATACAGCCCTCACCCATATGAACAGGAGGTTTCTGCGTTAGGTGGAATACCA 116
I S V Y S P H P Y E Q E V S A L G G I P
CT L G A Y S P H P D E Q E V S A L G G I P 120
TTAGGGGCATACAGTCCTCATCCAGATGAACAAGAAGTTTCTGCTTTAGGTGGGATTCCA

LT TATTCTCAGATATATGGATGGTATCGTGTTAATTTTGGTGTGATTGATGAACGATTACAT 136
Y S Q I Y G W Y R V N F G V I D E R L H
CT Y S Q I Y G W Y R V H F G V L D E Q L H 140
TACTCCCAAATATATGGATGGTATCGAGTTTCATTTTGGGGTGCTTGATGAACAATTACAT

LT CGTAACAGGGAATATAGAGACCGGTATTACAGAAATCTGAATATAGCTCCGGCAGAGGAT 156
R N R E Y R D R Y Y R N L N I A P A E D
CT R N R G Y R D R Y Y S N L D I A P A A D 160
CGTAATAGGGGCTACAGAGATAGATATTACAGTAACTTAGATATTGCTCCAGCAGCAGAT

FIG. 1A



LT GGTACAGATTAGCAGGTTTCCACCGGATCACCAAGCTTGGAGAGAAGAACCCTGGATT 176
G Y R L A G F P P D H Q A W R E E P W I

G Y G L A G F P P E H R A W R E E P W I 180
CT GGTATGGATTGGCAGGTTTCCCTCCGGAGCATAGAGCTTGGAGGGAAGAGCCGTGGATT

LT CATCATGCACCACAAGGTTGTGGAGATTCATCAAGAACAATCACAGGTGATACTTGTAAT 196
H H A P Q G C G D S S R T I T G D T C N

H H A P P G C G N A P R S S I S N T C D 200
CT CATCATGCACCGCCGGGTTGTGGGAATGCTCCAAGATCATCGATCAGTAATACTTGCGAT

LT GAGGAGACCCAGAATCTGAGCACAATATATCTCAGGGAATATCAATCAAAAGTTAAGAGG 216
E E T Q N L S T I Y L R E Y Q S K V K R

E K T Q S L G V K F L D E Y Q S K V K R 220
CT GAAAAACCCAAAGTCTAGGTGTAAATTCCTTGACGAATACCAATCTAAAGTTAAAAGA

LT CAGATATTTTCAGACTATCAGTCAGAGGTTGACATATATAACAGAATTCGGGATGAATTATGA
Q I F S D Y Q S E V D I Y N R I R D E L *

Q I F S G Y Q S D I D T H N R I K D E L *
CT CAAATATTTTCAGGCTATCAATCTGATATTGATACACATAATAGAATTAAGGATGAATTATGA

FIG. IB

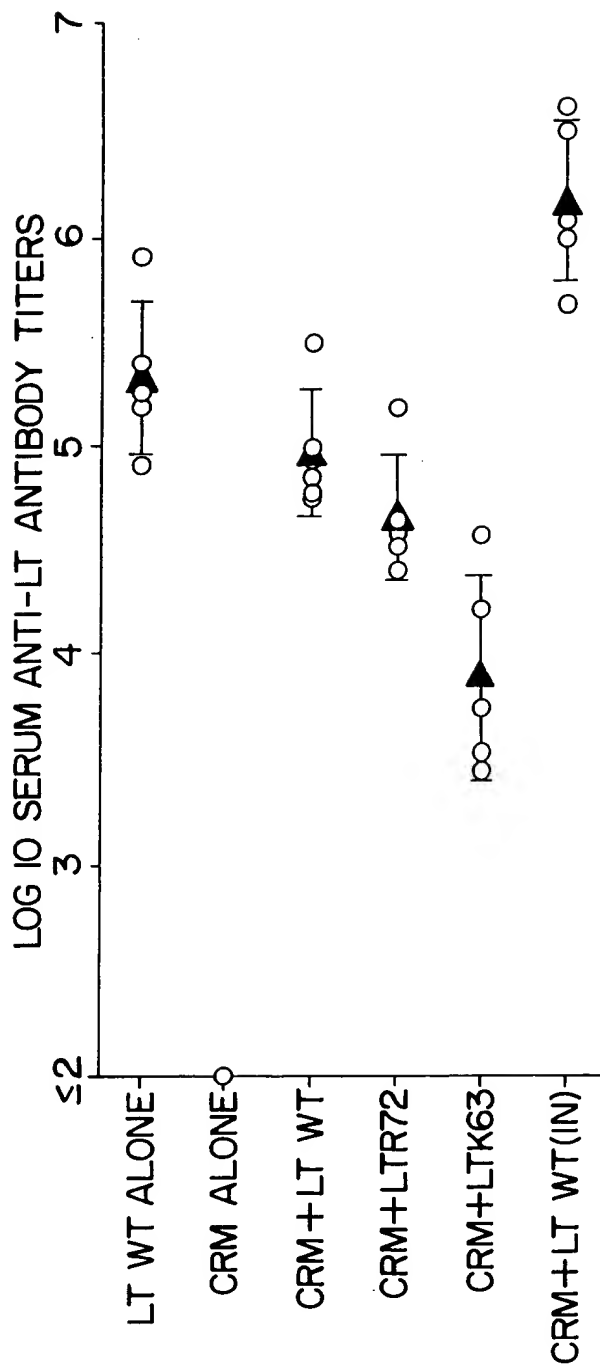


FIG. 2